

轻松准确地计算复杂样本的统计数据

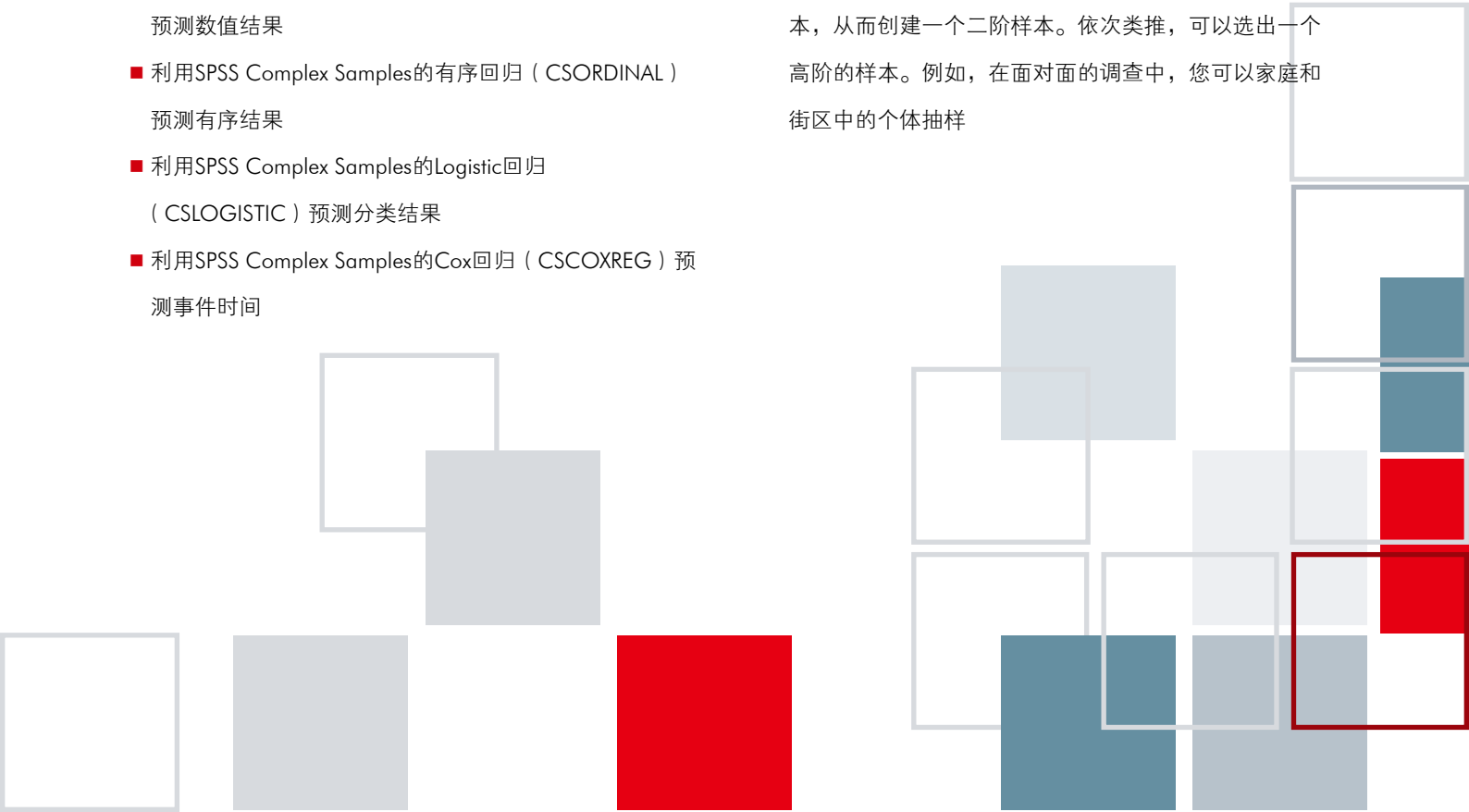
进行样本调查时，您希望应用对复杂抽样数据能给出正确估计的统计软件。SPSS Complex Samples提供专门的统计工具，能帮助您轻松准确地计算出复杂抽样设计的统计量和标准误差。您可应用SPSS Complex Samples于：

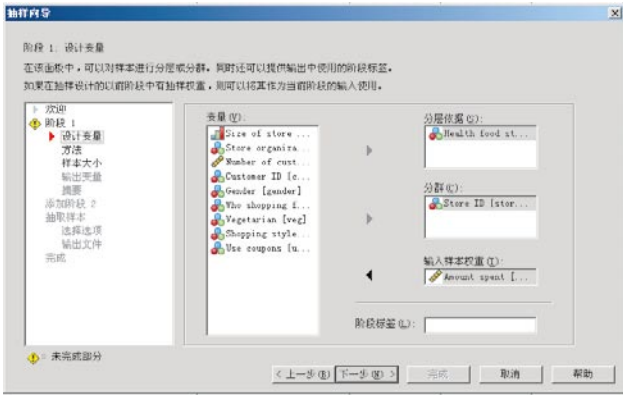
- 调查研究 – 从调查数据中获得描述性及推断性统计量
- 市场研究 – 分析客户满意度数据
- 健康研究 – 分析诸如健康与营养、摄入酒精与公共卫生有关的大规模公用数据集
- 社会科学 – 对公共调查数据进行相关研究
- 公众民意 – 研究公众对政策方针的态度SPSS Complex Samples为您提供研究复杂样本所需的一切
- 一个直观的抽样向导，逐步引导您进行抽样设计，并生成样本
- 一个易用的分析准备向导，帮助您准备公用数据集合以进行分析，例如疾病预防控制中心（CDC）的全国卫生状况调查的数据
- 利用SPSS Complex Samples的一般线性模型（CSGLM）预测数值结果
- 利用SPSS Complex Samples的有序回归（CSORDINAL）预测有序结果
- 利用SPSS Complex Samples的Logistic回归（CSLOGISTIC）预测分类结果
- 利用SPSS Complex Samples的Cox回归（CSCOXREG）预测事件时间

从规划到取样，直到分析阶段，SPSS Complex Samples可以很容易地获取准确可靠的分析结果。自从SPSS Complex Samples分析来自多阶段设计的数据时顾及多达三个阶段，最终您将得到更加准确的分析结果。另外，在评价您抽样设计的效果时，SPSS Complex Samples可以得到更准确的数据概况，因为部分总体评估会考虑到其它部分总体。

您可以在SPSS Complex Samples中使用如下类型的抽样设计信息

- 分层抽样 – 在所调查的总体子群中进行抽样，增加样本的精确度或确保能从关键子群中得到代表性的样本。例如，子群为一定数量的男性或女性，或是包含在特定职业类别中的人，也可以是某一年龄段的人，等等
- 类群抽样 – 选择类群（即各个样本单位的集合）。类群可以为学校、医院或地区，样本单位可以为学生、病人、或民众。类群抽样经常可以使调查更经济有效
- 多阶段抽样 – 首先，基于总体中的元素集合进行一阶抽样；接着从该样本中的每个选中的单位中产生一个子样本，从而创建一个二阶样本。依次类推，可以选出一个高阶的样本。例如，在面对面的调查中，您可以家庭和街区中的个体抽样





获得更准确可信的结果

作为研究人员，您希望能够得到可靠的结果。绝大多数常规的统计软件都假定您的数据是通过简单随机抽样取得的，而简单随机抽样在大多数大规模调查中既不现实也不经济。此外，用常规统计分析方法分析此类样本数据有得到错误结果的风险。例如，统计数据的估计标准误差经常太小，易导致对精度产生错误的认识。SPSS Complex Samples将抽样设计融入到调查分析中，因此使您能在由复杂抽样得到的总体中获得更加有效的统计推论。



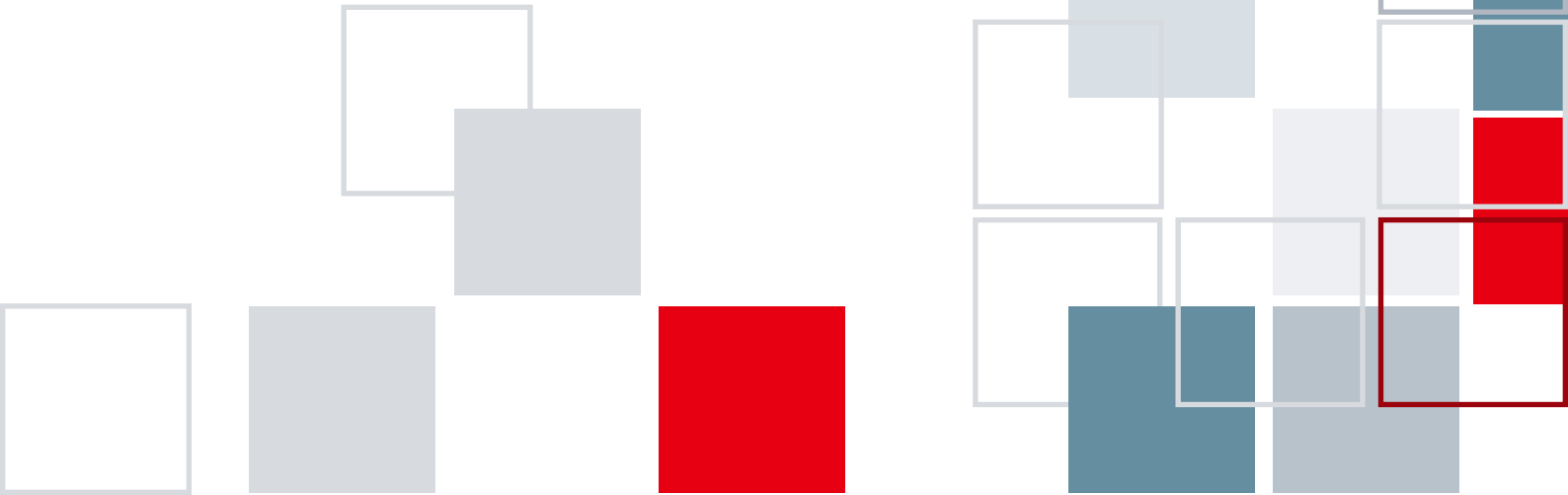
轻松有效地工作

只有SPSS Complex Samples 能使您理解和研究复杂抽样的调查研究结果变得简单易行。您可以通过直观的界面分析数据和结果。在完成分析后，您可以发表公用数据集合，并将抽样或分析规划包括在内。这些规划可以作为模板应用，并将您设计规划时的所有决策保存下来，这样就能够一劳永逸。当您和其他人将规划应用于数据中进行重复的工作或继续以前的工作时，就可以节省时间，提高准确度。

一家连锁店想通过抽样设计抽取一样本，并以性别作为控制变量，确定是否顾客购买的频率与顾客的消费金额有关。首先，该连锁店分析人员利用Complex Samples的分析准备向导（上）实现抽样。接下来，利用Complex Samples中的一般线性模型建立分析模型。

SPSS Complex Samples可以作为客户端软件安装，同样SPSS Complex Samples也可以与SPSS Base一起在C/S上安装和卸载。

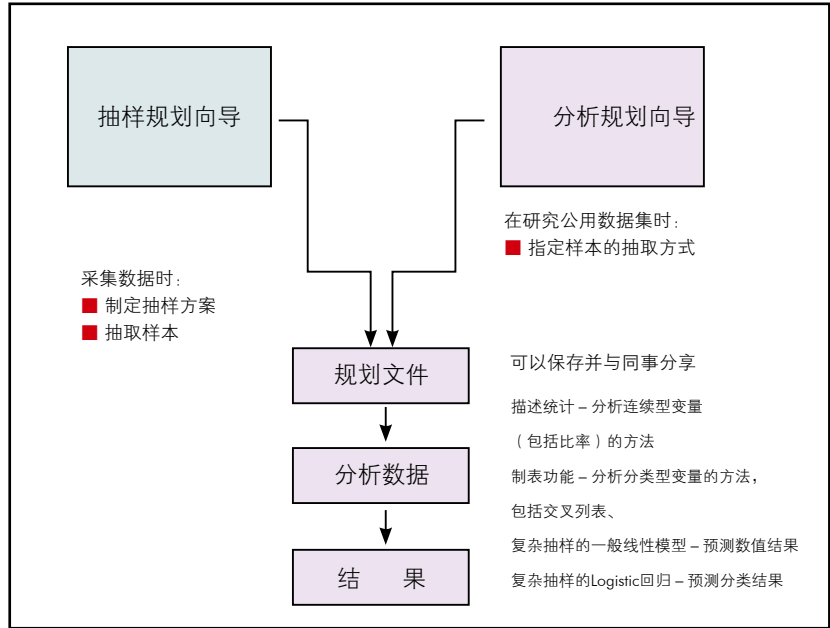
开始使用SPSS Complex Samples时，向导在您开始前就会提醒您必须考虑的因素。如果您要创建自己的样本，可以使用抽样向导来制定抽样方案。如果您使用的是有现成样本的公用数据集合（如CDC提供的的数据），那么您可以使用分析准备向导来进行详细的样本定义及标准误差的估算方法。一旦创建好了样本或指定了标准误差，您就可以创建规划、分析数据并得出结果（见下面的流程图）。



■ 准确分析调查数据

SPSS Complex Samples 简化了学习过程并提高了工作速度。您可以使用在线帮助系统，通过互动的案例分析或在线教程，进一步学习如何使用这个软件。

- 得出总计、均值、及比率的准确点估计
- 从上述统计中得出标准误差
- 得出正确的置信区间和假设检验
- 预测数值结果
- 预测有序结果
- 预测分类结果
- 预测事件时间



功能

Complex Samples Plan (CSPLAN)

一个通用界面用以制定抽样框，从而创建复杂的样本设计或SPSS Complex Samples附加模块中相应程序会用到的分析规范。CSPLAN 事实上并不提取样本或分析数据。如果是对个案抽样，就把CSPLAN产生的样本设计作为CSSELECT流程的输入（见下）；如果是分析样本数据，就把CSPLAN产生的设计样本作为CSGLM, CSLOGISTIC, CSDESCRIPTIVES, 或CSTABULATE等程序的输入

- 创建抽样设计：利用该功能从当前工作文件中提取抽样单位
- 创建分析设计：用以分析复杂样本
- 创建抽样设计时，程序自动将一份适当的分析设计保存在规划文件中。因此为设计抽样而创建的规划文件可以同时用于选取和分析样本

- 显示抽样设计或分析设计
- 将设计保存为外部文件
- 在提取样本时创建，用PLANVARS子命令定义与抽样规划相关的变量，并将这些变量作为选择/估计程序的输入
- 在估计程序中，为每个SPSS Complex Samples中每个分析过程指定最终样本权重
- 指定总体样本权重，该值将会在CSSELECT程序执行抽样设计时产生
- 选取用于在多阶段抽样设计中的最终权重
- 利用PRINT子命令控制CSPLAN的输出
- 显示抽样规划摘要，其中的输出能反映每个阶段设计的指标、规范
- 输出显示MATRIX指标的表格

- 使用DESIGN子命令标示设计的各个阶段您也可以利用这个命令定义分层变量，类群变量，或为特定阶段创建描述标签
- 使用METHOD子命令设置抽取样本的方法，从各种等概率和不等概率的方法中进行选择，包括简单和系统的随机抽样、与规模成比例的概率抽样（PPS）方法、有放回（WR）或无放回（WOR）抽样
- SIMPLE_WOR：等概率选择抽样单元，并无放回地提取
- SIMPLE_WR：等概率选择抽样单元，并有放回地提取
- SIMPLE_SYSTEMATIC：在整个抽样框架或分层中，以固定间隔选取单位。起始点是从第一间隔内随机选取的
- SIMPLE_CHROMY：等概率顺序地选取单位。并无放回地提取

□ 表示新特性

功能 (续)

- PPS_WOR: 依据与规模成比例的概率选取单位, 并无放回地提取
- PPS_WR: 依据与规模成比例的概率选取单位, 并有放回地提取
- PPS_SYSTEMATIC: 使用与规模成比例的概率, 用系统随机抽样选取单位, 并无放回的提取单位
- PPS_CHROMY: 使用与规模成比例的概率顺序选取单位, 并无放回地提取
- PPS_BREWER: 使用与规模成比例的概率, 在每个分层选择两个单元, 并无放回地提取
- PPS_MURTHY: 使用与规模成比例的概率, 在每个分层选择两个单元, 并无放回地提取
- PPS_SAMPFORD: 是Brewer方法的扩展, 依据与规模成比例的概率从每层选取两个以上的单元, 并无放回地提取
- 控制提取的单元的数量或百分比: 在设计每个阶段设定这些数值, 也可以选取输出变量, 例如在抽样设计被执行时创建分段抽样的权重
- 估计方法: 有放回、第一阶段等概率无放回, 以及不等概率的无放回
- 估计简单随机抽样的变量, 您可以选择有限样本总体修正方法
- 不等概无放回只能在第一阶段使用
- 变量说明: 指定估计过程中的输入变量, 包括总样本权重和入样概率
- 使用SIZE子命令指定现阶段提取的单元个体的数目
- 用RATE子命令指定现阶段提取单元个体的比例。例如, 用RATE指定抽样片断大小

- 在设置RATE时, 指定提取单元的最小数量。这在对某层的抽样概率特别小时很有用
- 在设置RATE时, 指定提取单元的最大数量。在对某层的抽样概率特别大而超过所需时很有用
- 指定PPS设计中, 总体单位规模的度量方法。设置表示大小的变量或要求规模大小由CSSELECT程序在扫描抽样框时确定
- 在抽样设计被执行时, 通过STAGEVARS子命令获得分阶段的样本信息变量
您可以获得:
 - 利用分阶段的入样(选取)概率得到某特定阶段从总体中抽取单元的比例
 - 对特定阶段, 使用累积入样概率获得优先阶段
 - 当使用有放回抽样时, 识别被不止一次被选入的单元, 并以重复指标标识这些在给定阶段被选入的单元
 - 给定阶段总体的大小
 - 给定阶段抽取的单元数目
 - 分阶段抽样率
 - 给定阶段的取样权重
- 使用ESTIMATOR子命令为当前阶段选择估计方法。您可以指定:
 - 无放回等概率选取
 - 无放回不等概率的选取
 - 有放回选取
- 用POPSIZE子命令为每个样本元素制定总体大小
- 用INCLPROB子命令指定在给定阶段总体中提取的单元的比例

Complex Samples Selection (CSSELECT)

CSSELECT过程从总体中选择复杂的, 基于概率的样本。该过程根据CSPLAN过程产生的抽样设计来进行选择

- 控制执行范围, 并用CRITERIA子命令指定一个种子值
- 通过CLASSMISSING子命令来控制分类变量(分层和聚类)的用户缺失值是否为有效值
- 使用最新的“Mersenne Twister”随机数生成器来选取样本
- 通过DATA子命令指定有关输入及输出文件的一般选项
 - 当用CSSELECT过程按照规划文件的要求, 写入样本权重变量和分段输出变量时, 可以选择重命名现有变量
- 将样本单元写入一个外部文件中, 同时可通过选择保留/丢弃特定变量
- 当指定了用PPS_WR抽样方法时, 自动将第一阶段中联合入样概率写入一个外部文件
- 可以选择产生一个文本文件, 记录了描述所选单元特征的规则
- 使用PRINT子命令控制输出
 - 总结所选个案在各层的分布, 包括每个设计阶段的信息
 - 生成一份记录处理流程的摘要

□ 表示新特性

Complex Samples描述

(CSDESCRIPTIVES)

CSDESCRIPTIVES过程对于使用复杂抽样方法获得的样本估计均值、总和及比率；并计算它们的标准误差、设计效果、置信区间，以及假设检验。该过程估计误差时会考虑抽样设计时所采用的入样方法，包括等概率、PPS、WR/WOR抽样等。CSDESCRIPTIVES 还提供对子群进行分析的选项

- 指定规划文件的文件名，该文件由 CSPLAN 过程产生，同时文件中包括由PLAN子命令写入的分析设计说明
- 指定包含联合入样概率的文件名字
- 通过SUMMARY子命令指定MEAN和SUM子命令使用的分析变量
- 通过MEAN子命令规定变量平均值按照SUMMARY 子命令指定的进行估计
 - 规定对总体均值进行检验，使用TTEST关键字给出零假设值。如果在SUBPOP子命令中定义子群，则在每个子群中以及整个总体的检验中使用零假设值
- 使用SUM子命令规定变量之和按照SUMMARY子命令指定的进行估计
 - 规定对总体之和进行T检验，使用TTEST关键字给出零假设值。如果用SUBPOP子命令定义子群，则在每个子群以及整个总体的检验中使用零假设值
- 使用RATIO子命令规定变量比例按照SUMMARY子命令指定的进行估计
 - 规定对总体比率进行T检验，使用TTEST关键字给出零假设值。如果用SUBPOP子命令定义子群，则在每个子群以及整个总体的检验中使用零假设值

- 与均值、总和、以及比率估计相关的语法，包括：
 - 数据集中用于每个均值、和或比率的估计的有效观测的数目
 - 每个均值、和或比率估计的总体大小
 - 每个均值、和及比率估计的标准误差
 - 变异系数
 - 设计效应
 - 设计效应的平方根
 - 置信区间
- 使用SUBPOP子命令指定要进行分析的子群
 - 在同一表格/不同表格显示子群
- 指定如何处理缺失值
 - 每个统计量都是基于有效观测计算的。用所有的两个指定变量为有效的数据观测计算比率。可以在不同样本大小上进行不同变量的统计
 - 进行统计时只使用对所有分析变量有效的数据，使用相同样本大小进行不同变量的统计
 - 排除各层、聚类及子群中的用户缺失值
 - 分析中包括各层、聚类及子群中的用户缺失值，并把它们作为有效数据处理

Complex Samples Tabulate (CSTABULATE)

CSTABULATE对于通过复杂抽样方法得到的样本，输出频数表或交叉表，以及相关标准误差、设计效应、置信区间和假设检验。该过程估计误差时会考虑抽样设计时所采用的入样方法，包括等概率、PPS、WR/WOR抽样等。CSTABULATE还提供了对子群创建表格的选项

- 指定一个XML文件名，该文件由 CSPLAN 过程生成，并通过PLAN子命令写入分析设计文件的

- 指定联合入样概率文件的文件名
- 在表格内使用以下统计量
 - 总体大小：估计表格中每个单元格和边际数据的大小
 - 标准误差：计算总体大小估计值的标准误差
- 行与列的百分比：显示每个单元格总体大小的估计值占其所在行/列的总体大小估计值的百分比。这一功能在二维交叉列表时可以使用
- 表百分比：在表格的每个单元格中将总体大小的估计值表示为该表格总体大小的估计值的百分比
- 变异系数
- 设计效应
- 设计效应的平方根
- 置信区间：指定0%到100%任意水平的置信区间，默认值为95%
- 未加权计数：对每个总体大小的估计使用未加权的计数作为有效观测数目
- 累积总体大小的估计：仅应用于一维的频数表
- 累积百分比：计算与一维频数表中累积总体大小相对应的累积百分比
- 期望总体大小的估计：如果交叉表中分析的两个变量是统计上独立的，则可以使用期望总体大小的估计。该功能仅用于二维交叉表
- 残差：显示每个单元格内观测和期望总体大型估计的差距。该功能仅用于二维交叉表
- Pearson残差：该功能仅用于二维交叉表
- 调整的Pearson残差：该功能仅用于二维交叉表

功能 (续)

- 整个表格可应用如下的统计量和检验
 - 相似比例检验
 - 独立性检验
 - 几率比
 - 相对风险
 - 风险度差值
- 通过SUBPOP指定要分析的子群
 - 在同一表格/不同表格显示子群
- 指定如何处理缺失值
 - 每个统计量都是基于有效观测计算的。用所有的两个指定变量为有效的数据观测计算比率。可以在不同样本大小上进行不同变量的统计
 - 进行统计时只使用对所有分析变量有效的数据,使用相同样本大小进行不同变量的统计
 - 排除各层、聚类及子群中的用户缺失值
 - 分析中包括各层、聚类及子群中的用户缺失值,并把它们作为有效数据处理

Complex Samples

一般线性模型 (CSGLM)

该程序使您能对于通过复杂抽样方法得到的样本建立线性回归、方差分析(ANOVA)、以及协方差分析(ANCOVA)等模型。该过程估计误差时会考虑抽样设计时所采用的入样方法,包括等概率、PPS、WR/WOR抽样等。CSGLM还提供了对子群进行分析的选项

- 模型
 - 主效应
 - 所有交互效应
 - 完全交叉
 - 定制,包括嵌套项
- 统计量
 - 模型参数:系数估计,每个被估计系数的标准误差、T检验、置信区间、设计效应以及设计效应的平方根

- 因变量和协变量的群体均值
- 模型拟合度
- 样本设计信息
- 假设检验
 - 检验统计量:Wald F检验、调整的Wald F检验、Wald卡方检验、调整的Wald卡方检验
 - 调整的多重比较:最小显著性差异、Bonferroni、连续Bonferroni、Sidak、连续Sidak,
 - 样本自由度:基于样本设计或固定值
- 估计的均值:估计模型中因子及交互项的边际均值
 - 对比:简单、偏移、Helmert、重复或多项式
- 模型变量可以保存到当前数据集并/导出为包含模型参数的外部文件
 - 变量:预测值及残差
 - 参数的协方差矩阵及与其相关的其它统计量,参数的相关矩阵及与其相关的其它统计量,均可以SPSS数据格式导出
 - 估计的参数和/或参数的协方差矩阵可以XML格式导出
- 输出
 - 样本设计信息
 - 回归系数估计及T检验
 - 因变量、协变量和因子的摘要信息
 - 样本的摘要信息,包括无加权计数和群体大小
 - 参数估计的置信区间(用户可自定义置信水平)
 - 模型效应的Wald F检验
 - 设计效应
 - 多重R2
 - 对比系数矩阵
 - 回归系数的方差-协方差矩阵
 - 均方根误差
 - 回归系数的协方差及相关矩阵

- 缺失值处理
 - 列删除缺失值
- 其它
 - 用户自定义用于计算所以检验统计量P值的分母、Df
 - 共线性诊断
 - 为子群建立拟合模型

复杂抽样有序回归(CSORDINAL)

CSORDINAL采用累积连接函数使您能对于通过复杂抽样方法得到的样本建立二项或多项有序回归模型。该过程估计方差时会考虑抽样设计时所采用的入样方法,包括等概率、PPS、WR/WOR抽样等。CSORDINAL还提供了对子群进行分析的选项。

- 模型
 - 主效应
 - 所有交互效应
 - 完全交叉
 - 定制,包括嵌套项
- 统计量
 - 模型参数:系数估计,取幂估计,每个被估计系数的标准误差、T检验、置信区间、设计效应以及设计效应的平方根、估计参数的协方差/相关矩阵
 - 模型拟合度:伪R2和分类表
 - 平行线检验:等坡Wald检验、一般(非等坡)
 - 模型参数估计及其协方差
 - 模型拟变量汇总统计量
 - 样本设计信息
- 假设检验
 - 检验统计量:Wald F检验、调整的Wald F检验、Wald卡方检验、调整的Wald卡方检验
 - 调整的多重比较:最小显著性差异、Bonferroni、连续Bonferroni、Sidak、连续Sidak,
 - 样本自由度:基于样本设计或固定值

- 模型变量可以保存到当前数据集并/或导出为包含模型参数的外部文件
- 变量：预测分类、预测分类概率、观察分类概率、累积概率（每一分类一个变量）、预测概率（每一分类一个变量）
- 参数的协方差矩阵及与其相关的其它统计量，参数的相关矩阵及与其相关的其它统计量，均可以SPSS数据格式导出
- 估计的参数和/或参数的协方差矩阵可以XML格式导出
- 三种估计模型：Newton-Raphson、Fisher-Scoring、基于Newton-Raphson的Fisher-Scoring
- 指定模型的累积连接函数：cauchit、互补的log-log、logit、负的log-log、probit
- 指点因素或协方差的累积优势比子命令行只对LOGIT连接有效
- 输出
 - 抽样设计信息（如strata、PSUs）
 - 因变量、方差、因子的信息摘要
 - 样本的信息摘要，如无权计数、样本大小
 - 参数估计置信区间限制和固定置信水平
 - 模型摘要统计量
 - Wald F检验、调整的Wald F检验、Wald卡方检验、调整的Wald卡方检验方法检验模型是否有效
 - 设计效果
 - 分类表
 - 对照系数矩阵设置
 - 回归系数估计的方差-协方差矩阵
 - 一般估计函数表
 - 回归系数的相关矩阵
- 缺失值处理
 - 列删除缺失值

- 其它
 - 用户自定义用于计算所以检验统计量P值的分母、Df
 - 共线性诊断
 - 为子群建立拟合模型

Complex Samples Logistic回归 (CSLOGISTIC)

该程序使您能对于通过复杂抽样方法得到的样本建立二项Logistic回归、多项Logistic回归模型。该过程估计误差时会考虑抽样设计时所采用的入样方法，包括等概率、PPS、WR/WOR抽样等。CSLOGISTIC还提供了对子群进行分析的选项

- 模型
 - 主效应
 - 所有交互效应
 - 完全交叉
 - 定制，包括嵌套项
- 统计量
 - 模型参数：系数估计，取幂估计、每个被估计系数的标准误差、T检验、置信区间、设计效应以及设计效应的平方根、估计参数的协方差/相关矩阵
 - 模型拟合度：伪R2和分类表
 - 样本设计信息
- 假设检验
 - 检验统计量：Wald F检验、调整的Wald F检验、Wald卡方检验、调整的Wald卡方检验
- 调整的多重比较：最小显著性差异、Bonferroni、连续Bonferroni、Sidak、连续Sidak,
- 样本自由度：基于样本设计或固定值
- 模型变量可以保存到当前数据集并/或导出为包含模型参数的外部文件

- 变量：预测分类及预测概率
- 参数的协方差矩阵及与其相关的其它统计量，参数的相关矩阵及与其相关的其它统计量，均可以SPSS数据格式导出
- 估计的参数和/或参数的协方差矩阵可以XML格式导出
- 输出
 - 样本设计信息
 - 回归系数估计及T检验
 - 因变量、协变量和因子的摘要信息
 - 样本的摘要信息，包括无加权计数和群体大小
 - 参数估计的置信区间（用户可自定义置信水平）
 - 模型效应的Wald F检验
 - 设计效应
 - 分类表
 - 对比系数矩阵
 - 回归系数的方差 - 协方差矩阵
 - 均方根误差
 - 回归系数的协方差及相关矩阵
- 缺失值处理
 - 列删除缺失值
- 其它
 - 用户自定义用于计算所以检验统计量P值的分母、Df
 - 共线性诊断
 - 为子群建立拟合模型

复杂抽样Cox回归(CSCOXREG)

该程序应用Cox比例危险回归分析生存时间，即通过复杂抽样方法得到的样本计算事件发生之前的时间长度。CSCOXREG支持分类和定量的预测因变量（因变量可为时间因变量）。

功能 (续)

CSCOXREG提供了一种分析亚组区别及预测因变量集效果的简易方法。该程序也能处理单项目的多种记录数据(比如探访病人、座谈会和观察值)。

- 时间和事件: 特定生存时间变量和已发生感兴趣事件的数值
 - 生存时间
- 间隔的开始(危险的发生)
 - Time 0
 - 根据不同项目而异
- 间隔的结束
- 单值或范围值的事件
- 预测变量
 - 自变量因子
 - 协方差
 - 时间因变量
- 亚组: 分层分析并/或限制为某一特殊子群
- 模型
 - 主效应
 - 所有交互效应
 - 完全交叉
 - 定制, 包括嵌套项
- 统计量
 - 样本设计信息
 - 事件和审查摘要
 - 事件时间危险集
 - 模型参数: 系数估计, 取幂估计、每个被估计系数的标准误差、T检验、置信区间、设计效应以及设计效应的平方根、估计参数的协方差/相关矩阵
 - 模型假设

- 比例危险检验
- 可替换模型的参数估计
- 可替换模型的协方差矩阵
 - 生存和累积危险函数基线
- 图:
 - 生存函数
 - 危险函数
 - 对数减去生存函数对数
 - 1减去生存函数
 - 显示置信区间的选项
 - 指定水平的因子和协方差图
- 假设检验
 - 检验统计量: F检验、调整F检验、卡方检验、调整卡方检验
 - 调整的多重比较: 最小显著性差异、Bonferroni、连续Bonferroni、Sidak和连续Sidak
 - 样本自由度: 基于样本设计或固定值
- 模型变量可以保存到当前数据集并/或导出为包含模型参数矩阵的外部文件
- 变量: 生存函数、生存函数置信区间上端及下端值、累积危险函数、累积危险函数置信区间上端及下端值、预测值或线性预测变量、Schoenfeld残差(每一模型参数一个变量)、Martingale残差、偏差残差、Cox-Snell残差、分数残差(每一模型参数一个变量)、DFBeta残差(每一模型参数一个变量)、汇总Martingale残差、汇总偏差残差、汇总Cox-Snell残差、汇总分数残差以及汇总DFBeta残差(每一模型参数一个变量)。

- 导出模型并/或生存函数
 - 导出SPSS Statistics数据文件
 - 以SPSS Statistics数据文件导出生存函数
 - 以XML文件导出模型
- 具体的估计标准选项、计算生存函数和置信区间的方法以及处理缺失值
 - 估计: 最大迭代、最大步骤减半、基于参数估计变化限制迭代、基于迭代过程似然比变化限制迭代、分开结方法参数估计(Efron或Breslow)
 - 生存函数: 基于生存函数估计方法(Efron、Breslow或产品限制)、生存函数置信区间(原来单位或转换后单位)
 - 指定置信区间水平
 - 处理缺失值(视为有效或无效)

系统需求

- 软件: SPSS Base 17.0
- 其它的系统需求根据平台的不同而异

